

Signalwege

Morphogenese und Zyklus der Haarfollikel

(siehe auch [Fellhaarfärbung](#) und [Fell](#))

Genetische Variation

Cai *et al.*, 2022¹⁾ entdeckten einen möglichen Zusammenhang zwischen WIF1 (*Wnt inhibitory factor 1*; SNP in Promotorregion) und unterschiedlichen Haarlängen bei Kurz-, Normal-, und Langhaar.

Bedeutung von miRNAs

Chen *et al.*, 2018²⁾ isolierten kleine [RNAs](#) aus der Haut von Kaninchen mit langem (Angora) und kurzem (Rex) Fellhaar. Die meisten dieser RNAs waren zwischen 18 und 24 Nukleotiden lang. Anschließend identifizierten sie 118 microRNAs (miRNAs), die zwischen Angora und Rex unterschiedlich exprimiert wurden. Diese Ergebnisse ließen vermuten, dass miRNAs bei Kaninchen an der Entwicklung der Haarfollikel beteiligt sind. Eine der Kandidaten-miRNA, miR-125a, wurde als Regulator der Wnt2-Expression identifiziert.

2 8 32

¹⁾

Cai, J., Zhao, B., Li, J., Bao, Z., Chen, Y., Liu, Y., & Wu, X. (2022). A single nucleotide polymorphism in the WIF1 promoter region regulates the wool length in rabbits. *Agriculture*, 12(11), 1858.

²⁾

Chen, Y., Zhao, B., Liu, M., Wang, J., Qiu, X., Zhu, C., & Wu, X. (2018). MicroRNAs profiling identifies miR-125a and its target gene Wnt2 in skins of different haired rabbits. *Frontiers in Genetics*, 9, 628.

From:

<https://wikikanin.de/> - Wikikanin

Permanent link:

<https://wikikanin.de/doku.php?id=genetik:signalwege&rev=1773298341>

Last update: **2026/03/12 07:52**

